



- 1 -

SEQUENCE LISTING

<110> Hood, Leroy E.
Ideker, Trey E.

<120> Multiparameter Integration Methods For
The Analysis of Biological Networks

<130> 66661-036 (IS4988)

<140> US 09/993,312

<141> 2001-11-13

<150> US 60/248,257

<151> 2000-11-14

<150> US 60/266,038

<151> 2001-02-02

<160> 33

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 1

gtacggatta gaagccgccc agc

23

<210> 2

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 2

gagcgggcca cagccctccg acg

23

<210> 3

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 3

cgacggaaga ctctcctccg tgc

23

<210> 4

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 4
cctcgcgccg cactgctccg aac 23

<210> 5
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 5
cgacggaaga ctctcctccg tgc 23

<210> 6
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 6
gagcgggcca cagccctccg acg 23

<210> 7
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 7
gtacggatta gaagccgccg agc 23

<210> 8
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 8
cttcgctcaa cagtgtccg aag 23

<210> 9
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 9
tcacgggtcaa cagttgtccg agc 23

<210> 10
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 10
caactgttga ccgtgatccg aag 23

<210> 11

<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 11
ccccggaata gtctgccccg att 23

<210> 12
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 12
gatcgggtgca atatactccg agc 23

<210> 13
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 13
ttccggaagg aagctttccg aat 23

<210> 14
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 14
caccggcggt ctttcgtccg tgc 23

<210> 15
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 15
gaacggcgca gatattccg cac 23

<210> 16
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 16
tatcggggcg gatcactccg aac 23

<210> 17
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 17

gggcggatca ctccgaaccg aga 23

<210> 18
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 18
ccccggacgg cagccgcccg tcc 23

<210> 19
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 19
caacggcatg cagcgagccg tag 23

<210> 20
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 20
tcacggtcac cactgctccg aca 23

<210> 21
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 21
gttcggcaca cagtggaccg aac 23

<210> 22
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 22
taccggcgca ctctcgcccg aac 23

<210> 23
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 23
cgtcggacag caaccccccg att 23

<210> 24
<211> 23
<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 24
gtccggtccg tccttgaccg aag 23

<210> 25

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 25
gaccggacac ctaatcaccg acg 23

<210> 26

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 26
cttcgccta atatagtccg aaa 23

<210> 27

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 27
cgacggggaa ttgaaccccg atc 23

<210> 28

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 28
gagcggctcc cctttccccc gaa 23

<210> 29

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 29
catcggacga ctttgctccc agg 23

<210> 30

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 30
ttttgggtaa cagcggaccg aag 23

<210> 31
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 31
cccagggtttc cattcatccg agc 23

<210> 32
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 32
gattggagta cccttatccg aag 23

<210> 33
<211> 23
<212> DNA
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 33
cggcggttgg caatcgccg tat 23